

Animal : **Rainbowie's Minis Sweet Dreams R Made of This**

N° d'identification :	250 269 699 538 828	Propriétaire :	Laetitia BLUMENROEDER
Race :	Berger Américain Miniature	N° de prélèvement :	E00861761 (prélevé le 16/06/2023)
Sexe :	Femelle	Code résultat :	A00039506
Date de naissance :	24/10/2021	Préleveur :	Olivier JONGH (Vétérinaire - N° d'ordre : 11469)
Pedigree :			Prélèvement authentifié
Résultat établi le :	30/06/2023	Document établi le :	30/06/2023

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Anomalie de l'Oeil du Colley (Hypoplasie Choroïdienne) (AOC)	NHEJ1 c.588+462_588+8260del/7799	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Atrophie Progressive de la Rétine (APR-prcd)	PRCD c.5G>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse MDR1	MDR1 c.227_230del/ATAG	Autosomique codominant	Homozygote normal	✓	✓
Achromatopsie	CNGB3 complete deletion	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Ataxie Spinocérébelleuse	PNPLA8 c.1169_1170dup/TT	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Cataracte Héritaire	HSF4 g.85286582del/C	Autosomique codominant	Homozygote normal	✓	✓
Céroïde-Lipofuscinose Neuronale					
NCL6	CLN6 c.829T>C	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
NCL8	CLN8 c.585G>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Hyperuricosurie (HUU)	SLC2A9 c.616G>T	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Maladie de von Willebrand (VWD1)	VWF c.7142C>T	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Rétinopathie Multifocale (CMR1)	BEST1 c.73C>T	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓

EXPLICATIONS	EXPRESSION	TRANSMISSION
Homozygote normal : l'animal possède 2 copies normales du gène.	✓ L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
Hétérozygote : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.	! L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.
Homozygote muté : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.		

Animal : **Rainbowie's Minis Sweet Dreams R Made of This**

N° d'identification :	250 269 699 538 828	Propriétaire :	Laetitia BLUMENROEDER
Race :	Berger Américain Miniature	N° de prélèvement :	E00861761 (prélevé le 16/06/2023)
Sexe :	Femelle	Code résultat :	A00039506
Date de naissance :	24/10/2021	Préleveur :	Olivier JONGH (Vétérinaire - N° d'ordre : 11469)
Pedigree :			Prélèvement authentifié
Résultat établi le :	30/06/2023	Document établi le :	30/06/2023

CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES



	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT
Locus A - Agouti			
a	ASIP c.286C>T	Autosomique récessif	a ^w /a ^w
A ^y	ASIP c.244G>T/248G>A	Autosomique dominant	a ^w /a ^w
Locus B - Marron			
b ^a	TYRP1 c.555T>G	Autosomique récessif	B/B
b ^c	TYRP1 c.121T>A	Autosomique récessif	B/B
b ^d	TYRP1 c.1033_1035del	Autosomique récessif	B/B
b ^e	TYRP1 c.1025T>G	Autosomique récessif	B/B
b ^s	TYRP1 c.991C>T	Autosomique récessif	B/b^s
Locus E - Extension			
e	MC1R c.916C>T	Autosomique récessif	E/E
e ²	MC1R g.63695679C>G	Autosomique récessif	E/E
e ³	MC1R c.816_817delCT	Autosomique récessif	E/E
E ^m	MC1R c.790A>G	Autosomique dominant	E^m/E
Locus K - Noir Dominant (K ^b)			
	CBD103 c.231_233del	Autosomique dominant	Non exprimé (k^y/k^y)
Locus M - Merle			
	SILV SINE insertion	Autosomique dominant	Non porteur Merle (m/m)
Poil Bouclé ou Ondulé (c ¹)			
	KRT71 c.451C>T	Autosomique dominant	Non porteur (C/C)
Polydactylie			
	LMBR1 DC-2	Autosomique dominant	Non porteur de polydactylie
Queue Courte			
	T c.189C>G	Autosomique dominant	Homozygote queue longue
Shedding			
	MC5R g.24430748C>T	Autosomique codominant	Chute de poils abondante

Animal : Rainbowie's Minis Sweet Dreams R Made of This

N° d'identification :	250 269 699 538 828	Propriétaire :	Laetitia BLUMENROEDER
Race :	Berger Américain Miniature	N° de prélèvement :	E00861761 (prélevé le 16/06/2023)
Sexe :	Femelle	Code résultat :	A00039506
Date de naissance :	24/10/2021	Préleveur :	Olivier JONGH (Vétérinaire - N° d'ordre : 11469)
Pedigree :			Prélèvement authentifié
Résultat établi le :	30/06/2023	Document établi le :	30/06/2023

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Macrothrombocytopénie Congénitale	TUBB1 c.745G>A	Autosomique dominant	Homozygote normal	✓	✓
Myélopathie Dégénérative (DM)	SOD1 c.118G>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓

EXPLICATIONS
Homozygote normal : l'animal possède 2 copies normales du gène.
Hétérozygote : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.
Homozygote muté : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.

EXPRESSION	TRANSMISSION
 L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
 L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.